

## SPOSÓB IDENTYFIKACJI ZNACZNIKÓW GENETYCZNYCH W POPULACJI KOMÓREK PRZY UŻYCIU SPEKTROMETRII MAS

### Autorzy

Dr Agnieszka Bernat-Wojtowska  
Pierre Savatier

Międzyuczelniany Wydział Biotechnologii  
Uniwersytet Gdański  
Gdański Uniwersytet Medyczny

### Komercjalizacja



- Licencja
- Sprzedaż praw własności
- Spin off

### Ochrona



Wynalazek stanowi przedmiot  
zgłoszenia patentowego w UPRP  
nr P.418683

### Poziom gotowości



TRL 4  
Technologia zwalidowana w  
warunkach laboratoryjnych


Dotychczas znane i stosowane metody identyfikacji losowo generowanych znaczników genetycznych w populacjach komórek, oparte na metodach sekwencjonowania, są czasochłonne i pracochłonne oraz wymagają analizy dużej ilości danych informatycznych. W odróżnieniu od bibliotek losowych, dzięki projektowaniu znaczników, i wprowadzaniu do komórek znaczników o znanej sekwencji możliwe jest znakowanie i śledzenie komórek lub całych organizmów i ich szybsza identyfikacja. Jest to szczególnie istotne przy bankowaniu komórek oraz przy pracach związanych z przekazywaniem materiału biologicznego pomiędzy placówkami badawczymi.


Opracowana technologia wykorzystuje spektrometrię mas MALDI-TOF oraz iPLEX do detekcji wariantów genetycznych kodów kreskowych, co umożliwia znakowanie genetyczne komórek, tkanek czy organizmów i szybką ich identyfikację, śledzenie wybranych populacji komórek w czasie (lub potomstwa pojedynczej komórki), badanie ewolucji klonalnej w trakcie procesu nowotworzenia oraz śledzenie losów komórek w trakcie procesów różnicowania i organogenezy zarówno in vitro jak in vivo.

Wynalazek może być stosowany do znakowania, śledzenia oraz identyfikacji komórek lub tkanek podczas prac badawczych lub przekazywania materiału biologicznego między laboratoriami.

### Centrum Transferu Technologii

 biuro@ctt.ug.edu.pl

 58 523 33 74  
58 523 33 75

 ul. Jana Bażyńskiego 1a  
80-309 Gdańsk